

AT5G57620.1
 CsaV3_1G011720.1
 CsaV3_1G013560.1
 CsaV3_1G031310.1
 CsaV3_2G008030.1
 CsaV3_2G025790.1
 CsaV3_2G025830.1
 CsaV3_3G041870.1
 CsaV3_3G036040.1
 CsaV3_4G035370.1
 CsaV3_5G038000.1
 CsaV3_5G038180.1
 CsaV3_6G014240.1
 CsaV3_6G044410.1
 CsaV3_6G049630.1
 CsaV3_UNG046320.1

R2R3 domain

AT5G57620.1
 CsaV3_1G011720.1
 CsaV3_1G013560.1
 CsaV3_1G031310.1
 CsaV3_2G008030.1
 CsaV3_2G025790.1
 CsaV3_2G025830.1
 CsaV3_3G041870.1
 CsaV3_3G036040.1
 CsaV3_4G035370.1
 CsaV3_5G038000.1
 CsaV3_5G038180.1
 CsaV3_6G014240.1
 CsaV3_6G044410.1
 CsaV3_6G049630.1
 CsaV3_UNG046320.1

Figure S1 Sequences of all CsMYB36 members in *Cucumis sativus*. Sequence alignment of cucumber CsMYB36s, Arabidopsis MYB36 using DNAMAN.