

Table S7. The number of different transcription factor binding sites of *Hsp20s*

Transcription Factor	Rc	Jc	Me	Ma	Ep	Hb	Vf
AP2	214	18	355	236	138	465	650
ARF	30	34	118	88	53	96	98
ARR-B	16	14	14	33	13	36	67
B3	254	90	154	293	160	686	912
BBR-BPC	370	217	567	369	301	779	1018
BES1	35	17	44	76	77	120	79
bHLH	320	204	672	505	334	707	531
bZIP	266	168	671	375	309	552	504
C2H2	388	238	673	653	390	927	1113
C3H	55	74	43	44	39	68	85
CAMAT	14	8	19	20	13	44	25
CPP	158	36	131	260	71	402	349
Dof	1200	859	632	1265	710	2041	2990
E2F/DP	33	17	95	57	38	100	97
EIL	10	5	47	19	21	27	28
ERF	1041	494	2099	3112	959	2650	3478
FAR1	11	7	42	18	10	33	18
G2-like	116	127	240	175	127	347	450
GATA	196	78	205	380	200	329	321
GeBP	32	0	0	26	18	48	41
GRAS	74	175	199	126	89	238	280
GRF	8	0	20	6	4	11	8
HD-ZIP	225	155	178	299	155	584	556
HSF	319	201	844	378	155	700	836
LBD	73	90	290	226	83	175	269
LFY	6	6	18	18	20	14	6
MIKC_MADS	426	109	682	653	298	851	1117
MYB	622	278	893	926	509	1322	1669
MYB_related	283	182	167	330	158	460	540
NAC	351	185	735	662	489	1032	793
NF-YB	16	0	0	25	7	35	28
Nin-like	52	26	105	59	29	102	58
RAV	51	10	22	52	36	61	53
S1Fa-like	36	0	0	46	18	82	96
SBP	29	41	83	45	32	116	80
SRS	26	6	18	23	39	44	45
TCP	214	128	560	126	137	645	333
Trihelix	125	84	276	227	141	207	267
VOZ	5	0	0	5	4	4	5
WOX	55	64	82	81	20	139	150

WRKY	242	158	264	474	314	667	491
YABBY	15	10	25	16	6	31	43
ZF-HD	101	35	41	172	36	279	291
TALE	0	39	226	0	0	0	0
Total	43	39	40	43	43	43	43

Jc: *J. curcas*; Rc: *R. communis*; Me: *M. esculenta*; Ep: *E. peplus*; Ma: *M. annua*; Hb: *H. brasiliensis*;
Vf: *V. fordii*