OsECA1::LOC_Os02g07430_MiMe

	PAIR1		*REC8*		*OSD1*	
WT	CAAGCAACCCAGTGCACCGCTGG	WT	CCGGAGAGCCTTAGTGCCATGGG	WT	CCTGCCGCCGACGAGCAACAAGG	WT
#1	CAAGCAACCCAGTGCACACGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCACATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGAGCA-ACAAGG	-1bp
	CAAGCAACCCAGTGCACTCGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCCCATGGG	+1bp	CCTGCCG----------GG	-14bp
#2	CAAGCAACCCAGTGCACCCGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCACATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGAGCAAACAAGG	+1bp
	CAAGCAACCCAGTGCACTCGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCTCATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGAGCATACAAGG	+1bp
#5	CAAGCAACCCAGTGCACTCGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCCCATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGA--AACAAGG	-2bp
	CAAGCAACCCAGTGCACACGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCCCATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGAGCAAACAAGG	+1bp
#7	CAAGCAACCCAGTGCACTCGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCACATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGAGCATACAAGG	+1bp
	CAAGCAACCCAGTGCACACGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGT--CATGGG	-2bp	CCTGCCGCCGACGAGCAGACAAGG	+1bp
#10	CAAGCAACCCAGTGCACTCGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCGCATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGAGCAGACAAGG	+1bp
	CAAGCAACCCAGTGCACACGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCGCATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGAGCAGACAAGG	+1bp
#15	CAAGCAACCCAGTGCACACGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGT-CCATGGG	-1bp	CCTGCCGCCGACGAGCATACAAGG	+1bp
	CAAGCAACCCAGTGCACTCGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGT-CCATGGG	-1bp	CCTGCCGCCGACGAGCAAACAAGG	+1bp

OsECA1::LOC_Os02g35140_MiMe

	PAIR1		*REC8*		*OSD1*	
WT	CAAGCAACCCAGTGCACCGCTGG	WT	CCGGAGAGCCTTAGTGCCATGGG	WT	CCTGCCGCCGACGAGCAACAAGG	WT
#2	CAAGCAACCCAGTGCACGCGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCTCATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGAG--AACAAGG	-2bp
	CAAGCAACCCAGTGCACTCGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCGCATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGAG--AACAAGG	-2bp
#3	CAAGCAACCCAG-----CGCTGG	-5bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCACATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGAGCAAACAAGG	+1bp
	CAAGCAACCCAGTGCACTCGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCACATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGAGCAGACAAGG	+1bp
#9	CAAGCAACCCAGTGCAC-CGCTGG	-1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCACATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGAGCATACAAGG	+1bp
	CAAGCAACCCAGTGCACACGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCGCATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGAGCATACAAGG	+1bp
#10	CAAGCAACCCAGTGCAC-CGCTGG	-1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCACATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGAGCATACAAGG	+1bp
	CAAGCAACCCAGTGCACACGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCGCATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGAGCATACAAGG	+1bp
#13	CAAGCAACCCAGTGCAC-CGCTGG	-1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCTCATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGAG--AACAAGG	-2bp
	CAAGCAACCCAGTGCACTCGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCGCATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGAG--AACAAGG	-2bp
#14	CAAGCAACCCAGTGCAC-CGCTGG	-1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCTCATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGAGCAGACAAGG	+1bp
	CAAGCAACCCAGTGCACTCGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCGCATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGAG--AACAAGG	-2bp
#15	CAAGCAACCCAGTGCACGCGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCGCATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGAG--AACAAGG	-2bp
	CAAGCAACCCAGTGCACTCGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAG--CCATGGG	-2bp	CCTGCCGCCGACGAG--AACAAGG	-2bp

OsECA1::LOC_Os06g04870_MiMe

	PAIR1		*REC8*		*OSD1*	
WT	CAAGCAACCCAGTGCACCGCTGG	WT	CCGGAGAGCCTTAGTGCCATGGG	WT	CCTGCCGCCGACGAGCAACAAGG	WT
#1	CAAGCAACCCAGTGCACACGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCTCATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGAGCAAACAAGG	+1bp
	CAAGCAACCCAGTGCACACGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCGCATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGA-CAACAAGG	-1bp
#4	CAAGCAACCCAGTGCACACGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCTCATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGAGCATACAAGG	+1bp
	CAAGCAACCCAGTGCACTCGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCGCATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGAGCATACAAGG	+1bp
#7	CAAGCAACCCAGTGCACTCGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCACATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGAGCACACAAGG	+1bp
	CAAGCAACCCAGTGCACACGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCACATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGAG---ACAAGG	-2bp
#8	CAAGCAACCCAGTGCACACGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCACATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGAGCAGACAAGG	+1bp
	CAAGCAACCCAGTGCACCCGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCTCATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGAGCATACAAGG	+1bp
#11	CAAGCAACCCAGTGCACTCGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCGCATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGAGCAAACAAGG	+1bp
	CAAGCAACCCAGTGCACTCGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGT-CCATGGG	-1bp	CCTGCCGCCGACGAGCAAACAAGG	+1bp
#13	CAAGCAACCCAGTGCACACGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCGCATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGAGCAAACAAGG	+1bp
	CAAGCAACCCAGTGC-CCGCTGG	-1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCACATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGAGCAAACAAGG	+1bp

OsECA1::LOC_Os06g22760_MiMe

	PAIR1		*REC8*		*OSD1*	
WT	CAAGCAACCCAGTGCACCGCTGG	WT	CCGGAGAGCCTTAGTGCCATGGG	WT	CCTGCCGCCGACGAGCAACAAGG	WT
#3	CAAGCAACCCAGTGCACGCGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGC----GG	-4bp	CCTGCCGCCGACGAGCAAACAAGG	+1bp
	CAAGCAACCCAGTGCACTCGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGT-CCATGGG	-1bp	CCTGCCGCCGAC-------AAGG	-7bp
#8	CAAGCAACCCAGTGCACGCGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCTCATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGAGCATACAAGG	+1bp
	CAAGCAACCCAGTGCACCCGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCACATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGA----ACAAGG	-4bp
#9	CAAGCAACCCAGTGCACCCGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCGCATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGAGCAAACAAGG	+1bp
	CAAGCAACCCAGTGCACACGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCACATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGAGCAAACAAGG	+1bp
#12	CAAGCAACCCAGTGCACGCGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCTCATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGAGCAGACAAGG	+1bp
	CAAGCAACCCAGTGCACCCGCTGG	+1bp	CCGGAGAGCCTTAGTGCTCATGGG	+1bp	CCTGCCGCCGACGAGCACACAAGG	+1bp

Fig. S6. Mutation detection of three *MiMe* genes of the other four apomixis constructs.