

Table S18. K2p distance among *coxI* sequences from Brachidontinae species

Species	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11
1 <i>Brachidontes exustus</i>											
2 <i>Brachidontes mutabilis</i> *	0.066										
3 <i>Brachidontes mutabilis</i>	0.063	0.024									
4 <i>Brachidontes pharaonis</i>	0.057	0.027	0.031								
5 <i>Brachidontes pharaonis</i>	0.059	0.031	0.026	0.019							
6 <i>Brachidontes</i> sp.	0.062	0.011	0.018	0.023	0.023						
7 <i>Brachidontes variabilis</i> *	0.070	0.047	0.046	0.046	0.045	0.045					
8 <i>Brachidontes variabilis</i>	0.072	0.047	0.046	0.048	0.047	0.045	0.002				
9 <i>Geukensia demissa</i> F	0.127	0.103	0.092	0.101	0.109	0.099	0.106	0.106			
10 <i>Geukensia demissa</i> M	0.156	0.145	0.136	0.139	0.138	0.137	0.128	0.130	0.106		
11 <i>Mytilaster solisianus</i>	0.102	0.109	0.099	0.098	0.100	0.105	0.105	0.107	0.150	0.180	

* represent sequences obtained from this study.