Table 1 Selection pressure analysis (branch-site model) of *AmphiMEKK1* and *AmphiMEKK2/3*.

Gene	Model	df	-lnL	2ΔlnL	*P* value	Positive selection site						
AmphiMEKK1	MA0		294420.197251									
	MA	1	294412.947018	14.500466	1.40125E-4	7 R*	10 T*	11 A*	12 V**	16 C*	19 S**	22 L*
						23 S**	24 G**	33 T*	34 P*	36 A**	37 V**	39 S**
						42 Q*	48 A**	51 F**	55 V**	58 L**	62 P**	71 L*
						101Y*	133 M*	143 T*	147 R*	158 R**	170 R*	187 V*
						209 A*	228 A**	237 T*	239 S**	243 R*	253 P**	271 Y*
						289 H*	292 R*	295 S*	296 Q*	298 P*	311 A*	315 S**
						318 C*	334 D**	342 W*	345 S*	352 F**	360 Y*	361 T*
						366 A**	370 E*	375 L**	376 S**	380 G**	381 I**	386 L*
						390 Y*	391 P*	409 S*	413 L*	430 I*	439 S*	477 G*
						479 G*	492 R*	494 I*	512 V*	535 S*	538 K**	545 V*
						550 S*	579 R**	585 R*	606 Q*	607 G*	612 M*	620 T*
						644 C**	696 Q**	706 G**	715 S*	728 L*	737 C*	755 T**
						811 T*	816 G*	819 S*	820 R*	822 G**	824 L*	
AmphiMEKK2/3	MA0		294461.553606									
	MA	1	294392.914994	137.277224	1.04873E-31	26 S**	30 S*	34 S**	36 T*	45 Q**	64 S*	75 T*
						88 L*	91 S*	98 I**	114 C*	115 K**	125 Q**	126 G*
						129 H**	130 G**	146 K*	151 S**	153 S*	155 S**	156 T**
						158 D*	167 Q**	176 D**	177 S**	189 E*	193 T**	199 S**
						204 S**	210 Y*	226 S**	227 S**	228 D*	229 S**	232 N**
						235 L*	237 S**	245 F*	246 S**	248 E**	250 L*	273 I**
						274 M**	302 R*	310 R**	329 D*	331 E**	337 Y**	339 L**
						354 S**	403 S**	477 L**	566 F**	589 G*	593 C**	617 E**
						622 F**						

*Posterior probability > 0.95; **Posterior probability > 0.99.