

Table S5. Tandem repeats in the *D. huoshanense* mitogenome

Indices	Period Size	Copy Number	Consensus Size	Percent Matches	Percent Indels	Score	A	C	G	T	Entropy (0-2)
47792--47843	11	4.5	11	92	7	77	32	7	9	50	1.64
47859--47888	15	2.0	15	100	0	60	33	20	0	46	1.51
55617--55698	32	2.6	32	100	0	164	26	19	30	23	1.98
60844--60914	25	2.8	25	100	0	142	4	39	19	36	1.71
65982--66008	11	2.5	11	100	0	54	29	22	25	22	1.99
101255--101378	59	2.1	59	100	0	248	9	37	19	33	1.84
101258--101403	59	2.6	55	91	7	224	8	36	19	34	1.83
152611--152745	60	2.2	60	100	0	270	37	14	34	13	1.85
156147--156305	27	5.9	27	99	0	309	11	33	14	40	1.82
156352--156377	13	2.0	13	100	0	52	46	15	15	23	1.83
163073--163118	23	2.0	23	95	0	83	41	17	28	13	1.86
190379--190487	28	3.9	28	100	0	218	34	14	25	24	1.94
201954--202029	27	2.8	27	95	2	134	10	32	18	38	1.85
205407--205450	20	2.2	20	100	0	88	25	29	22	22	1.99
229828--229878	27	1.9	27	92	4	86	23	19	9	47	1.79
233312--233406	27	3.5	27	98	0	181	27	25	4	43	1.73
240108--240202	27	3.5	27	98	0	181	27	25	4	43	1.73
246892--246917	13	2.0	13	100	0	52	46	7	30	15	1.74
263485--263605	25	4.8	25	100	0	242	36	19	39	4	1.71
297276--297310	10	3.4	10	92	4	52	51	20	8	20	1.73
347496--347654	85	1.9	86	98	1	311	15	32	22	30	1.94
349621--349704	40	2.1	40	100	0	168	21	22	10	45	1.82
349629--349724	40	2.4	40	91	0	147	26	20	12	40	1.88
354446--354476	12	2.6	12	100	0	62	6	25	0	67	1.14
355735--355765	16	1.9	16	93	0	53	38	19	3	38	1.68
361545--361570	13	2.0	13	100	0	52	23	15	15	46	1.83
361617--361708	27	3.4	27	98	1	175	40	15	32	11	1.84
361617--361722	27	3.9	26	93	6	151	40	15	33	10	1.81
361617--361722	54	1.9	54	90	9	171	40	15	33	10	1.81
379066--379917	215	4.0	213	96	2	1528	19	25	21	33	1.97
383677--383701	13	1.9	13	100	0	50	52	8	16	24	1.70
399289--399351	29	2.2	29	100	0	126	9	36	12	41	1.76
402868--402919	11	4.5	11	92	7	77	32	7	9	50	1.64
402935--402964	15	2.0	15	100	0	60	33	20	0	46	1.51
430424--430453	15	2.0	15	93	0	51	63	13	16	6	1.50
434400--434443	18	2.4	18	92	0	70	4	13	43	38	1.65
449855--449950	27	3.4	27	90	7	138	25	23	5	45	1.73
456393--456418	13	2.0	13	100	0	52	53	15	30	0	1.42
471783--471878	27	3.4	27	90	7	138	25	23	5	45	1.73

528600--528635	16	2.2	17	90	5	56	30	13	5	50	1.65
544474--544566	24	3.9	24	100	0	186	33	16	37	12	1.86
548941--549014	37	2.0	37	97	0	139	5	39	13	41	1.67
580490--580546	27	2.1	27	100	0	114	24	26	14	35	1.93
586038--586075	19	2.0	19	100	0	76	21	26	10	42	1.85
609667--609715	18	2.7	18	96	0	89	55	10	28	6	1.57
613195--613220	12	2.2	12	100	0	52	23	23	38	15	1.92
614254--614281	13	2.2	13	100	0	56	42	7	28	21	1.79
619281--619305	13	1.9	13	100	0	50	48	20	8	24	1.76
629542--629610	24	2.9	24	100	0	138	13	37	15	33	1.86
644431--644464	17	2.0	17	100	0	68	29	11	11	47	1.76
678771--678795	13	1.9	13	100	0	50	20	0	48	32	1.50
680739--680892	59	2.6	59	100	0	308	10	36	20	33	1.86
709274--709569	25	11.8	25	100	0	592	4	39	19	36	1.71
710955--711018	27	2.4	27	97	0	119	23	28	12	35	1.91
713420--713525	27	3.9	26	93	6	151	10	33	15	40	1.81
713572--713597	13	2.0	13	100	0	52	46	15	15	23	1.83
726925--726950	13	2.0	13	100	0	52	46	15	15	23	1.83
744992--745024	11	3.0	11	100	0	66	27	9	0	63	1.24
758918--759066	59	2.6	57	91	8	252	9	35	20	34	1.85

Parameters: Total length (Period size * Copy number) >= 30 and Percent Matches >= 90%