

















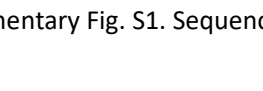


		E-value	Sites	Width
Motif 1.		2.2e-333	11	74
Motif 2.		2.6e-354	10	93
Motif 3.		6.9e-209	20	42
Motif 4.		3.3e-171	11	50
Motif 5.		1.5e-153	10	42
Motif 6.		1.8e-120	10	43
Motif 7.		7.3e-147	10	59
Motif 8.		2.5e-110	10	47
Motif 9.		2.8e-056	10	45
Motif 10.		1.7e-081	13	42
Motif 11.		1.3e-027	10	42
Motif 12.		1.6e-026	13	30
Motif 13.		4.3e-019	10	35
Motif 14.		5.7e+002	10	42
Motif 15.		1.0e+002	10	30
Motif 16.		1.8e+005	10	30
Motif 17.		5.4e+014	10	30
Motif 18.		5.8e+014	10	38
Motif 19.		6.6e+017	10	30
Motif 20.		3.4e+020	10	30

Supplementary Fig. S1. Sequence logos for the conserved motifs of CchHSPs.