

```

FxaII_6110095210 ATGGAGTGGTTCAAGAGCTCTTCAGCCGTTTTCGCGAAGAGGATCGAATTCGATGGGCGTCTGGCCGCGCCGGTAGACTAGGTTTGTACAGCTCAAGCTCGGAAATGTCCGCCATCCCTACATCGGATTAATGTGGAGCTGTGGAAATCAGAGCATAGCTTACTGTGTGGGA 200
FxaII_61200953470 ATGGAGTGGTTCAAGAGCTCTTCAGCCGTTTTCGCGAAGAGGATCGAATTCGATGGGCGTCTGGCCGCGCCGGTAGACTAGGTTTGTACAGCTCAAGCTCGGAAATGTCCGCCATCCCTACATCGGATTAATGTGGAGCTGTGGAAATCAGAGCATAGCTTACTGTGTGGGA 200
FxaII_62100949800 ATGGAGTGGTTCAAGAGCTCTTCAGCCGTTTTCGCGAAGAGGATCGAATTCGATGGGCGTCTGGCCGCGCCGGTAGACTAGGTTTGTACAGCTCAAGCTCGGAAATGTCCGCCATCCCTACATCGGATTAATGTGGAGCTGTGGAAATCAGAGCATAGCTTACTGTGTGGGA 200
FxaII_63200949110 ATGGAGTGGTTCAAGAGCTCTTCAGCCGTTTTCGCGAAGAGGATCGAATTCGATGGGCGTCTGGCCGCGCCGGTAGACTAGGTTTGTACAGCTCAAGCTCGGAAATGTCCGCCATCCCTACATCGGATTAATGTGGAGCTGTGGAAATCAGAGCATAGCTTACTGTGTGGGA 200
FxaII_63100002800 ATGGAGTGGTTCAAGAGCTCTTCAGCCGTTTTCGCGAAGAGGATCGAATTCGATGGGCGTCTGGCCGCGCCGGTAGACTAGGTTTGTACAGCTCAAGCTCGGAAATGTCCGCCATCCCTACATCGGATTAATGTGGAGCTGTGGAAATCAGAGCATAGCTTACTGTGTGGGA 200
FxaII_63200002780 ATGGAGTGGTTCAAGAGCTCTTCAGCCGTTTTCGCGAAGAGGATCGAATTCGATGGGCGTCTGGCCGCGCCGGTAGACTAGGTTTGTACAGCTCAAGCTCGGAAATGTCCGCCATCCCTACATCGGATTAATGTGGAGCTGTGGAAATCAGAGCATAGCTTACTGTGTGGGA 200
FxaII_64100145790 ATGGAGTGGTTCAAGAGCTCTTCAGCCGTTTTCGCGAAGAGGATCGAATTCGATGGGCGTCTGGCCGCGCCGGTAGACTAGGTTTGTACAGCTCAAGCTCGGAAATGTCCGCCATCCCTACATCGGATTAATGTGGAGCTGTGGAAATCAGAGCATAGCTTACTGTGTGGGA 200
FxaII_64200141900 ATGGAGTGGTTCAAGAGCTCTTCAGCCGTTTTCGCGAAGAGGATCGAATTCGATGGGCGTCTGGCCGCGCCGGTAGACTAGGTTTGTACAGCTCAAGCTCGGAAATGTCCGCCATCCCTACATCGGATTAATGTGGAGCTGTGGAAATCAGAGCATAGCTTACTGTGTGGGA 200
Consensus tggagactgac ttcagagctcttcagccg ttttcgcgaaagagatcgaaatcggatggg cgtctggcccgccggtagactaggtttgtacagctcaagctcggaaatgtccgccatccctacatcggatataatgtggagctgtggaaatcagagcatagcttactgtgtggga
FxaII_6110095210 TGTGGGGTCTGAGCAGATCCCTCATTTGTGGAGGCTACTCTCCAGACACTCAGGGGTTATTTTGTGGTTGATAGCAATGCAAGGATCGATGTTGTGAGGAGGATGATGATGTCAGGATGTTGATTAATGAGATGAACTGAGGGATGCTGTTTTGCTGATTTGCCAACAAGATGCTCCCAATGCCA 400
FxaII_61200953470 TGTGGGGTCTGAGCAGATCCCTCATTTGTGGAGGCTACTCTCCAGACACTCAGGGGTTATTTTGTGGTTGATAGCAATGCAAGGATCGATGTTGTGAGGAGGATGATGATGTCAGGATGTTGATTAATGAGATGAACTGAGGGATGCTGTTTTGCTGATTTGCCAACAAGATGCTCCCAATGCCA 400
FxaII_62100949800 TGTGGGGTCTGAGCAGATCCCTCATTTGTGGAGGCTACTCTCCAGACACTCAGGGGTTATTTTGTGGTTGATAGCAATGCAAGGATCGATGTTGTGAGGAGGATGATGATGTCAGGATGTTGATTAATGAGATGAACTGAGGGATGCTGTTTTGCTGATTTGCCAACAAGATGCTCCCAATGCCA 400
FxaII_63200002780 TGTGGGGTCTGAGCAGATCCCTCATTTGTGGAGGCTACTCTCCAGACACTCAGGGGTTATTTTGTGGTTGATAGCAATGCAAGGATCGATGTTGTGAGGAGGATGATGATGTCAGGATGTTGATTAATGAGATGAACTGAGGGATGCTGTTTTGCTGATTTGCCAACAAGATGCTCCCAATGCCA 400
FxaII_63100002800 TGTGGGGTCTGAGCAGATCCCTCATTTGTGGAGGCTACTCTCCAGACACTCAGGGGTTATTTTGTGGTTGATAGCAATGCAAGGATCGATGTTGTGAGGAGGATGATGATGTCAGGATGTTGATTAATGAGATGAACTGAGGGATGCTGTTTTGCTGATTTGCCAACAAGATGCTCCCAATGCCA 400
FxaII_64100145790 TGTGGGGTCTGAGCAGATCCCTCATTTGTGGAGGCTACTCTCCAGACACTCAGGGGTTATTTTGTGGTTGATAGCAATGCAAGGATCGATGTTGTGAGGAGGATGATGATGTCAGGATGTTGATTAATGAGATGAACTGAGGGATGCTGTTTTGCTGATTTGCCAACAAGATGCTCCCAATGCCA 400
FxaII_64200141900 TGTGGGGTCTGAGCAGATCCCTCATTTGTGGAGGCTACTCTCCAGACACTCAGGGGTTATTTTGTGGTTGATAGCAATGCAAGGATCGATGTTGTGAGGAGGATGATGATGTCAGGATGTTGATTAATGAGATGAACTGAGGGATGCTGTTTTGCTGATTTGCCAACAAGATGCTCCCAATGCCA 400
Consensus tgt gggggtcagcagatccctcatcttggagggcactctctccagacactcaggggttattttgtggttgatagcaatgcaaggatcgatgttgtgagggatgatgatgtcaggatgttataatgagatgaaactgagggatgctgttttgctgatttgccaacaagatgctcccaatgcc
FxaII_6110095210 TGAATGCTCGAATAAATCTGATAGCTTGGTCTTATCTCTCCGCCAAGCTCACTGGTACATTCAGAGCACTGTGCTACTCTGGAGGGGACTGTACAGGGGACTGGGTTGTTCCAAATGATGCTTCAAGGGGCTG 546
FxaII_61200953470 TGAATGCTCGAATAAATCTGATAGCTTGGTCTTATCTCTCCGCCAAGCTCACTGGTACATTCAGAGCACTGTGCTACTCTGGAGGGGACTGTACAGGGGACTGGGTTGTTCCAAATGATGCTTCAAGGGGCTG 546
FxaII_62100949800 TGAATGCTCGAATAAATCTGATAGCTTGGTCTTATCTCTCCGCCAAGCTCACTGGTACATTCAGAGCACTGTGCTACTCTGGAGGGGACTGTACAGGGGACTGGGTTGTTCCAAATGATGCTTCAAGGGGCTG 546
FxaII_63200949110 TGAATGCTCGAATAAATCTGATAGCTTGGTCTTATCTCTCCGCCAAGCTCACTGGTACATTCAGAGCACTGTGCTACTCTGGAGGGGACTGTACAGGGGACTGGGTTGTTCCAAATGATGCTTCAAGGGGCTG 546
FxaII_63100002800 TGAATGCTCGAATAAATCTGATAGCTTGGTCTTATCTCTCCGCCAAGCTCACTGGTACATTCAGAGCACTGTGCTACTCTGGAGGGGACTGTACAGGGGACTGGGTTGTTCCAAATGATGCTTCAAGGGGCTG 546
FxaII_63200002780 TGAATGCTCGAATAAATCTGATAGCTTGGTCTTATCTCTCCGCCAAGCTCACTGGTACATTCAGAGCACTGTGCTACTCTGGAGGGGACTGTACAGGGGACTGGGTTGTTCCAAATGATGCTTCAAGGGGCTG 546
FxaII_64100145790 TGAATGCTCGAATAAATCTGATAGCTTGGTCTTATCTCTCCGCCAAGCTCACTGGTACATTCAGAGCACTGTGCTACTCTGGAGGGGACTGTACAGGGGACTGGGTTGTTCCAAATGATGCTTCAAGGGGACTG 546
FxaII_64200141900 TGAATGCTCGAATAAATCTGATAGCTTGGTCTTATCTCTCCGCCAAGCTCACTGGTACATTCAGAGCACTGTGCTACTCTGGAGGGGACTGTACAGGGGACTGGGTTGTTCCAAATGATGCTTCAAGGGGACTG 546
Consensus tgaatgctcgaataaactgatagcttgggtcttattctctccgccaaagctcactggtagcatcagagcactgtgctactctggaggggactgtacaggggactgggttgttccaaatgatgcttcaaggggctg

```

Figure S1. Nucleic acid sequence alignment between alleles of *ADPrfl* gene